

中国医学科学院 北京协和医学院 文件

医科科发〔2019〕228号

关于召开“第十四届全国医药卫生 青年科技论坛”的通知

各有关单位：

为加强医药卫生科技领域青年科技工作者间的学术交流，促进青年科技人才迅速成长，共同探讨医学科学技术研究领域的发展趋势，推动医药卫生领域的自主创新研究和科研进步，根据《国家卫生健康委科教司关于同意联合主办第十四届全国医药卫生青年科技论坛的复函》（国卫科教规评便函〔2019〕134号）文

件精神，“第十四届全国医药卫生青年科技论坛”（以下简称“论坛”）将于2019年10月23—25日由国家卫生健康委员会科教司和中国医学科学院北京协和医学院共同主办、中国医学科学院北京协和医学院和遵义医科大学在遵义联合承办。

论坛的主题是“新时代 新科技 新征程——加快医药创新步伐 推动健康中国建设”。论坛涉及重大疾病相关的基础、临床、药学、公共卫生和医学人工智能等领域，将邀请多位院士、著名专家和优秀中青年学者作大会报告。

为了给全国医药卫生青年科技人员提供展示自己的平台，使更多的青年人才脱颖而出，论坛将面向全国医药卫生青年科技人员征稿，经过初筛，遴选出优秀稿件的作者赴遵义报告并接受专家现场评审。现将论坛有关事项通知如下：

一、征文

（一）内容

1. 基础医学：如基因编辑等前沿技术、大数据与智慧医学等。
2. 临床医学：如精准医学、免疫治疗和细胞治疗。
3. 药学：如药物创新和中医药现代化等。
4. 公共卫生与预防医学：如慢病防控等。
5. 医学人工智能：如医学图像人工智能识别等。

（二）要求

1. 投稿人员：年龄在 45 周岁以下，从事医药卫生工作的青年科技工作者和研究生。

2. 投稿论文：投稿论文应是近两年的研究进展（2017 年 8 月以后发表或未发表的）在以上主题领域具有创新性的学术论文、科技成果或应用成果。

3. 提交说明：

（1）只接受网络投稿，需提交论文中文摘要，摘要按题名、作者、单位、目的、方法、结果、结论、关键词的结构撰写，篇幅不超过 1000 字，不需要附上图表，参见范例（见附件）。网址：<http://yyws.medmeeting.org/cn>。

（2）论文摘要打印后，经所在单位科研处在单位名称上盖章后扫描上传。文稿中各部分的字号及字体要求如下：题目：小三号黑体；作者：小四号楷体；单位名称和正文：小四号仿宋体。

4. 截止日期：2019 年 9 月 9 日。

二、活动办法

（一）组织专家对所有稿件进行遴选，合格稿件作者将受邀参会，论文在论坛举办期间展出壁报。优秀稿件的作者将受邀现场报告。所有遴选上的论文将入选《论文摘要集》。

（二）组织专家组对报告进行评审。评选一二三等奖，获奖人员颁发获奖证书。

三、参会说明

(一) 所有参会人员免注册费；交通费、住宿费自理。

(二) 本次论坛以 45 岁以下中青年专业人员为主，欢迎高校、科研院所、医药卫生机构的相关管理人员、教育工作者参加，有意参加者请登录以上网站注册报名。

四、联系方式

联系人：郑彩云 张华

电子邮箱：forum@cams.cn

电话：(010) 65105967 65279749

传真：(010) 85115967

网址：<http://yyws.medmeeting.org/cn>

附件：第十四届全国医药卫生青年科技论坛稿件格式



2019 年 7 月 5 日

(信息公开形式：内部公开)

附件

食管鳞癌的基因组变异谱研究

宋咏梅, 詹启敏

(中国医学科学院&北京协和医学院肿瘤医院分子肿瘤学

国家重点实验室, 100021, 北京)

目的: 通过基因组测序、aCGH 和功能生物学研究揭示食管鳞癌的基因组变异特征。

方法: 17 例食管鳞癌进行全基因组测序、71 例进行外显子组测序、123 例进行 aCGH 检测, 通过分析 SNV、CNV、indel、SV 数据, 综合研究了食管鳞状细胞癌基因组数据概况、突变频谱、重要突变基因、组蛋白修饰相关基因突变、拷贝数变异、结构变异、重要通路变异以及药物靶基因变异, 并且通过构建的野生型与突变型质粒, 研究了突变基因、扩增区域 microRNA 的生物学功能。

结果: 研究发现了 8 个与食管鳞癌发生相关的重要的基因突变, 其中 FAM135B 是首次发现的肿瘤相关基因; 获得了食管鳞癌拷贝数变异的重要数据, 发现位于染色体 11q13.3-13.4 扩增区域的 MIR548K 参与食管鳞癌的恶性表型的形成, 这些基因的变异是食管癌发生发展的重要因素, 与食管癌的预后密切相关; 发现重要组蛋白调节基因 MLL2、ASH1L、MLL3、SETD1B 和 CREBBP/EP300 在食管鳞癌中呈现频繁非沉默突变; 对潜在治疗靶点进行分析, 发现 PI3K 是食管鳞癌突变频率最高的潜在药靶, 并发现 PSMD2、RARRES1、SRC、GSK3 β 和 SGK3 等潜在新药靶。整合了所有基因突变和基因拷贝变异数据, 确定了与食管鳞癌发生发展相关的重要信号通路, 包括 Wnt、cell cycle、Notch、RTK-Ras 和 AKT 通路。

结论: 全面揭示了食管鳞癌的基因组变异特征, 这些发现能够确定新的突变和扩增基因, 研发临床分子标志物和潜在药靶, FAM135B、microRNA548K 未来可能作为食管鳞状细胞癌诊断的标记物或者治疗的靶点。

关键词: 食管鳞癌 基因组 变异谱

2019年7月9日印发